

Indikation/angeforderte Untersuchungen

- | | | |
|---|---|--|
| <input type="radio"/> MDS
<input type="checkbox"/> Chromosomenanalyse
<input type="checkbox"/> optional FISH
<input type="checkbox"/> Panel-Mutationsanalyse ^{*)**)} | <input type="radio"/> AML
<input type="checkbox"/> Chromosomenanalyse und FISH
<input type="checkbox"/> <i>FLT3</i> - und <i>NPM1</i> -Mutationsanalyse ^{*)}
<input type="checkbox"/> Panel-Mutationsanalyse, incl. <i>FLT3</i> - und <i>NPM1</i> ^{*)**)} | <input type="radio"/> ALL
<input type="checkbox"/> Chromosomenanalyse und FISH
<input type="checkbox"/> Panel-Mutationsanalyse ^{*)**)} |
|---|---|--|

- | | | | | |
|--|------------------------------------|--|---|--|
| <input type="radio"/> CML
<input type="checkbox"/> Chromosomenanalyse
<input type="checkbox"/> FISH: <i>BCR-ABL1</i> qualitativ
<input type="checkbox"/> PCR: <i>BCR-ABL1</i> quantitativ
(Analyse durch Partnerlabor;
RNA-basiert, bitte schneller Transport)
<input type="checkbox"/> Mutationsanalyse bei TKI-Resistenz ^{*)} (RNA-basiert, bitte schneller Transport) | <input type="radio"/> CMMoL | <input type="radio"/> MDS/MPN overlap | <input type="radio"/> MDS/MPN-N
<input type="checkbox"/> Chromosomenanalyse
<input type="checkbox"/> optional FISH
<input type="checkbox"/> Panel-Mutationsanalyse ^{*)**)} | <input type="radio"/> CNL
<input type="checkbox"/> Chromosomenanalyse
<input type="checkbox"/> optional FISH
<input type="checkbox"/> <i>CSF3R</i> -Mutationsanalyse ^{*)}
<input type="checkbox"/> Panel-Mutationsanalyse ^{*)**)} |
|--|------------------------------------|--|---|--|

- | | | | | | | | |
|---|---------------------------------|---------------------------------|----------------------------------|---|----------------------------------|----------------------------------|--|
| <input type="radio"/> MPN, n.n.b. | <input type="radio"/> PV | <input type="radio"/> ET | <input type="radio"/> PMF | <input type="radio"/> Eosinophilie | <input type="radio"/> HES | <input type="radio"/> CEL | <input type="radio"/> Mastozytose |
| <input type="checkbox"/> Chromosomenanalyse (bei Verdachtsdiagnose inkl. <i>BCR-ABL1</i> -Ausschluss)
<input type="checkbox"/> optional FISH
<input type="checkbox"/> Stufendiagnostik (<i>BCR/ABL1-FISH</i> > <i>JAK2</i> > <i>CALR</i> > <i>MPL</i>)
<input type="checkbox"/> „Driver“-Mutationsanalyse ^{*)} (alle Loci oder einzeln)
<input type="radio"/> <i>JAK2</i> Ex 14/Ex 12 <input type="radio"/> <i>CALR</i> <input type="radio"/> <i>MPL</i>
<input type="checkbox"/> Panel-Mutationsanalyse ^{*)**)} (Prognose und erweiterte Klonalitätssuche; inkl. <i>JAK2</i> , <i>CALR</i> , <i>MPL</i>) | | | | <input type="checkbox"/> Chromosomenanalyse und FISH
(<i>PDGFRA</i> -, <i>PDGFRB</i> -, <i>FGFR1</i> -,
<i>JAK2</i> -Translokationen)
<input type="checkbox"/> <i>KIT</i> -Mutationsanalyse ^{*)}
<input type="checkbox"/> Panel-Mutationsanalyse ^{*)**)} | | | |

- | | | |
|--|--|--|
| <input type="radio"/> CLL
<input type="checkbox"/> Chromosomenanalyse und FISH
inkl. <i>TP53</i> -Deletion
<input type="checkbox"/> <i>TP53</i> -Analyse (FISH und Mutationsanalyse ^{*)})
<input type="checkbox"/> <i>IGHV</i> -Mutationsstatus
<input type="checkbox"/> Panel-Mutationsanalyse ^{*)**)} | <input type="radio"/> B-NHL, n.n.b.
<input type="checkbox"/> Chromosomenanalyse und FISH
<input type="checkbox"/> Panel-Mutationsanalyse ^{*)**)}
(bei unklarer reifer B-Zell-Neoplasie) | <input type="radio"/> hochmalignes NHL, n.n.b.
<input type="radio"/> DLBCL <input type="radio"/> Burkitt-Lymphom
<input type="checkbox"/> Chromosomenanalyse und FISH
<input type="checkbox"/> Panel-Mutationsanalyse ^{*)**)} |
|--|--|--|

- | | | |
|--|---|--|
| <input type="radio"/> nodales MZL <input type="radio"/> MALT
<input type="checkbox"/> Chromosomenanalyse und FISH
<input type="checkbox"/> Panel-Mutationsanalyse ^{*)**)} | <input type="radio"/> Follikuläres Lymphom
<input type="checkbox"/> Chromosomenanalyse und FISH
<input type="checkbox"/> Panel-Mutationsanalyse ^{*)**)} | <input type="radio"/> Mantelzelllymphom
<input type="checkbox"/> Chromosomenanalyse und FISH
<input type="checkbox"/> Panel-Mutationsanalyse ^{*)**)} |
|--|---|--|

- | | | |
|---|--|--|
| <input type="radio"/> splen. MZL
<input type="checkbox"/> Chromosomenanalyse und FISH
<input type="checkbox"/> Panel-Mutationsanalyse ^{*)**)} | <input type="radio"/> SDRPL (SLVL) <input type="radio"/> SBLPN
<input type="checkbox"/> Chromosomenanalyse und FISH
<input type="checkbox"/> Panel-Mutationsanalyse ^{*)**)} | <input type="radio"/> Haarzelleukämie
<input type="checkbox"/> Chromosomenanalyse und FISH
<input type="checkbox"/> <i>BRAF</i> -Mutationsanalyse ^{*)} |
|---|--|--|

- | | |
|--|--|
| <input type="radio"/> MGUS <input type="radio"/> LPL <input type="radio"/> Mb. Waldenström
Ig Leichtketten
<input type="checkbox"/> Chromosomenanalyse und FISH
<input type="checkbox"/> <i>MYD88</i> -Mutationsanalyse ^{*)}
<input type="checkbox"/> <i>CXCR4</i> -Mutationsanalyse ^{*)} | <input type="radio"/> MGUS <input type="radio"/> PZ <input type="radio"/> MM
Ig Leichtketten
<input type="checkbox"/> Chromosomenanalyse und FISH
<input type="checkbox"/> <i>BRAF</i> -Mutationsanalyse ^{*)}
<input type="checkbox"/> <i>TP53</i> -Mutationsanalyse ^{*)}
<input type="checkbox"/> Panel-Mutationsanalyse ^{*)**)} |
|--|--|

- | | |
|--|--|
| <input type="radio"/> T-NHL, n.n.b. <input type="radio"/> T-PLL <input type="radio"/> T-LGL <input type="radio"/> Sézary
<input type="checkbox"/> Chromosomenanalyse und FISH
<input type="checkbox"/> Panel-Mutationsanalyse ^{*)**)} | <input type="radio"/> Hodgkin Lymphom
<input type="checkbox"/> Chromosomenanalyse und FISH |
|--|--|

- Resistenzmutationen^{*)}**
 BTK bei Ibrutinib-Res.
 PLCG2 bei Ibrutinib-Res.
 BCL2 bei Venetoclax-Res.
 weitere

Sonstiges/weitere Gene:

^{*)} nicht akkreditierte Analyse

^{**)} Entität-spezifische Panel werden basierend auf WHO/Leitlinien/Literatur aus 179 für hämatologische Neoplasien relevanten Genen zusammengestellt (siehe Webseite für mehr Informationen). Individuelle Zusammenstellungen aus den 179 Genen sind auf Anfrage möglich.

Hinweis: Wird nur die Entität angekreuzt, werden alle darunter aufgelisteten Analysen durchgeführt. Die Panel-Mutationsanalyse beinhaltet dann die unter der Entität aufgeführten Einzel-Gen-Mutationsanalysen.

Ort, Datum	Stempel und Unterschrift verantwortliche(r) Arzt/Ärztin
------------	--